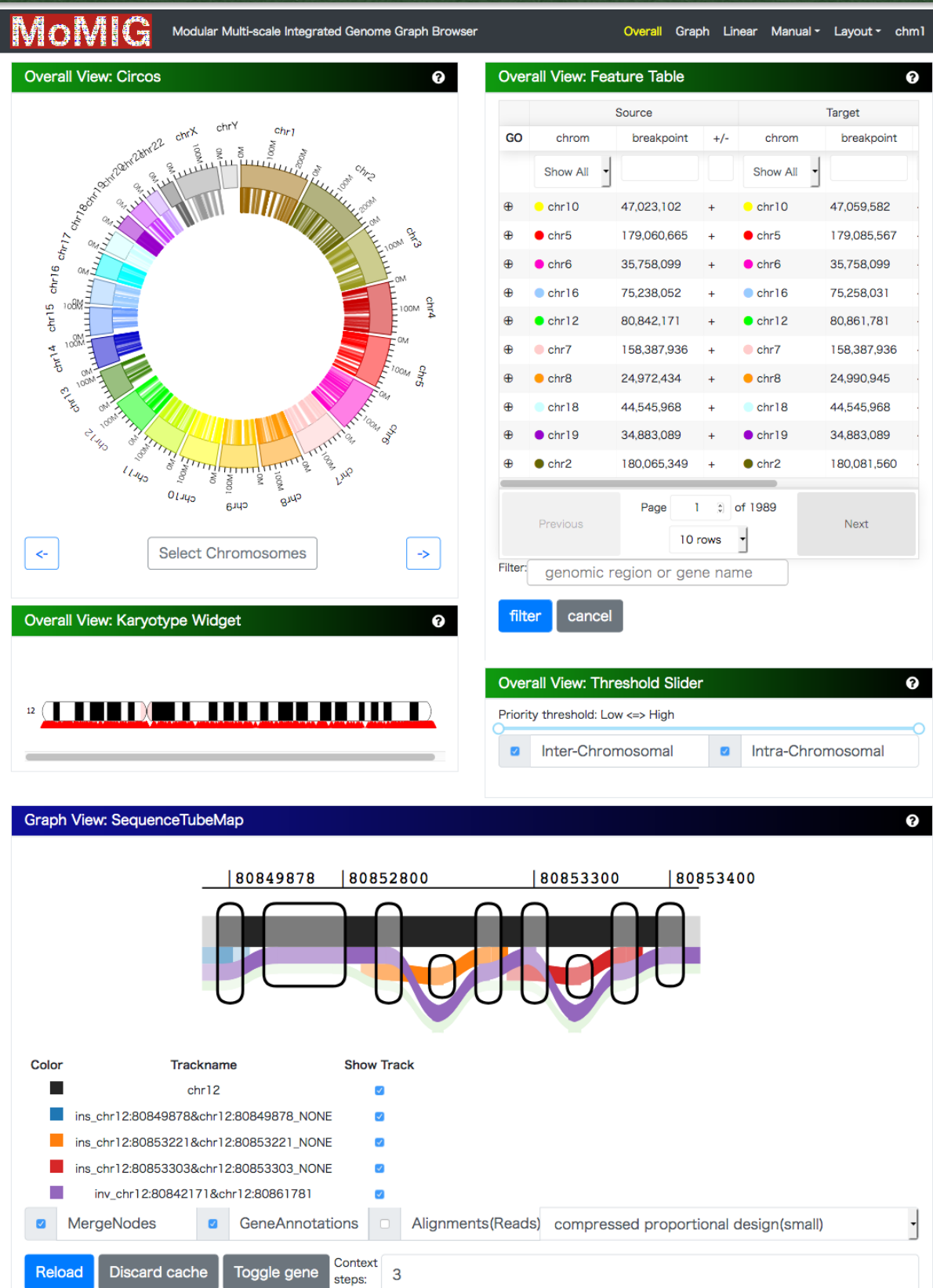


グラフゲノムブラウザ

— 疾患研究を促進する遺伝情報の可視化 —

横山 稔之（東京大学大学院）



✓ ゲノムグラフを可視化するゲノムブラウザ
 情報科学的なグラフ構造で表現されたゲノムを、
 関連情報とあわせて一画面で可視化できます。

✓ 疾患研究で重要な構造多型の可視化を改善
 疾患研究で注目されている構造多型に対して、
 グラフを用いた新しい可視化を提案します。

✓ 目的やスケールの異なる様々なデザインを統合
 構造多型や集団ゲノム解析など、目的に応じて
 必要なデザインを組み合わせることができます。

**MoMIG(モミジ)は、将来のゲノム研究を
 促進する基盤となるソフトウェアです。**

